|  |  |
| --- | --- |
| **Proje No** |  TAGEM/TBAD/15/A01/P01/003 |
| **Proje Başlığı** | Çatı Proje: Yerel Sebze Genetik Kaynaklarının Toplanması Muhafazası Karakterizasyonu ve DeğerlendirilmesiAlt Proje: Göller Bölgesinde Yerel Kavun Genotiplerinin Morfolojik ve Moleküler Karakterizasyonu ve Seleksiyon Yoluyla Islahı |
| **Projeyi Yürüten Kuruluş** | Meyvecilik Araştırma Enstitü Müdürlüğü - Eğirdir |
| **Proje Yürütücüsü** | **Dr. Fatih ERDOĞAN** |
| **Yardımcı Araştırıcılar** | Şeyma Reyhan ERDOĞAN, Yusuf ÖZTÜRK, Prof. Dr. Mustafa PAKSOY, Prof. Dr. Önder TÜRKMEN |
| **Başlama ve Bitiş Tarihi** | 01.01.2015 | 31.12.2018 |
| **Projenin Yıllara Göre Bütçesi** | 2015 | 2016 | 2017 | 2018  |
| 15000 | 5000 | 2000 | 1000 |
| **Proje Özeti** |
| Genetik kaynakların yok olmadan gen bankalarında muhafaza altına alınması bir ülkenin sürdürülebilir tarımı için son derece önemlidir. Özellikle gen kaynaklarının toplanması ve tarımsal üretime katkı sağlaması konularında uluslararası düzeyde çok önemli çalışmalar yapılmaktadır.Türkiye, Anadolu'dan Japonya'ya kadar uzanan flora içerisinde genetik kaynakları ile önemli bir bitki olan kavunun ikincil gen merkezleri arasında yer almaktadır (Pitrat ve ark., 1999). Küresel iklim değişikliği ile birlikte oluşan kuraklık gibi çevresel etmenler son yıllarda kavunda verimliliği sınırlandırmaktadır. Göller bölgesi Akdeniz iklimi ile karasal iklim bölgeleri arasında geçit kuşağı özelliğine sahiptir. Pek çok bahçe bitkisinde olduğu gibi kavun içinde uygun ekolojik koşullara sahiptir. Bölgede kavun yetiştiriciliği kısmen ticari kaygılardan uzak yerel çeşitlerle yapılmaktadır. Bu yerel genetik zenginliğin muhafaza altına alınması, tanımlanması ve ıslah programlarına kaynak oluşturması son derece önemlidir. Bu proje kapsamında Göller Bölgesinden derlenen 94 adet yerel kavun genotipi kayıt altına alınmış olup 3 yıl kendileme yapılarak kademe ilerlemesi (S3 kademesi) yapılmıştır. 2019 yılında kalan 11 genotipin kademe ilerlemesi ve 48 IPGR kriterine göre morfolojik ölçüm ve gözlemler yapılacaktır. Ayrıca moleküler yöntemlerle tanımlanması yapılacaktır. Bu çalışmayla, havza yerel kavun genetik kaynaklarının özelliklerinin belirlenmesi ile içlerindeki benzer tiplerin elemine edilmesi sayesinde, gen bankalarının ve ıslahçıların iş gücü ve masraflarını büyük ölçüde azaltılmış olacaktır. |
|
|
|
|
|
|
|
|
|
|